

FIG. 1

2/27

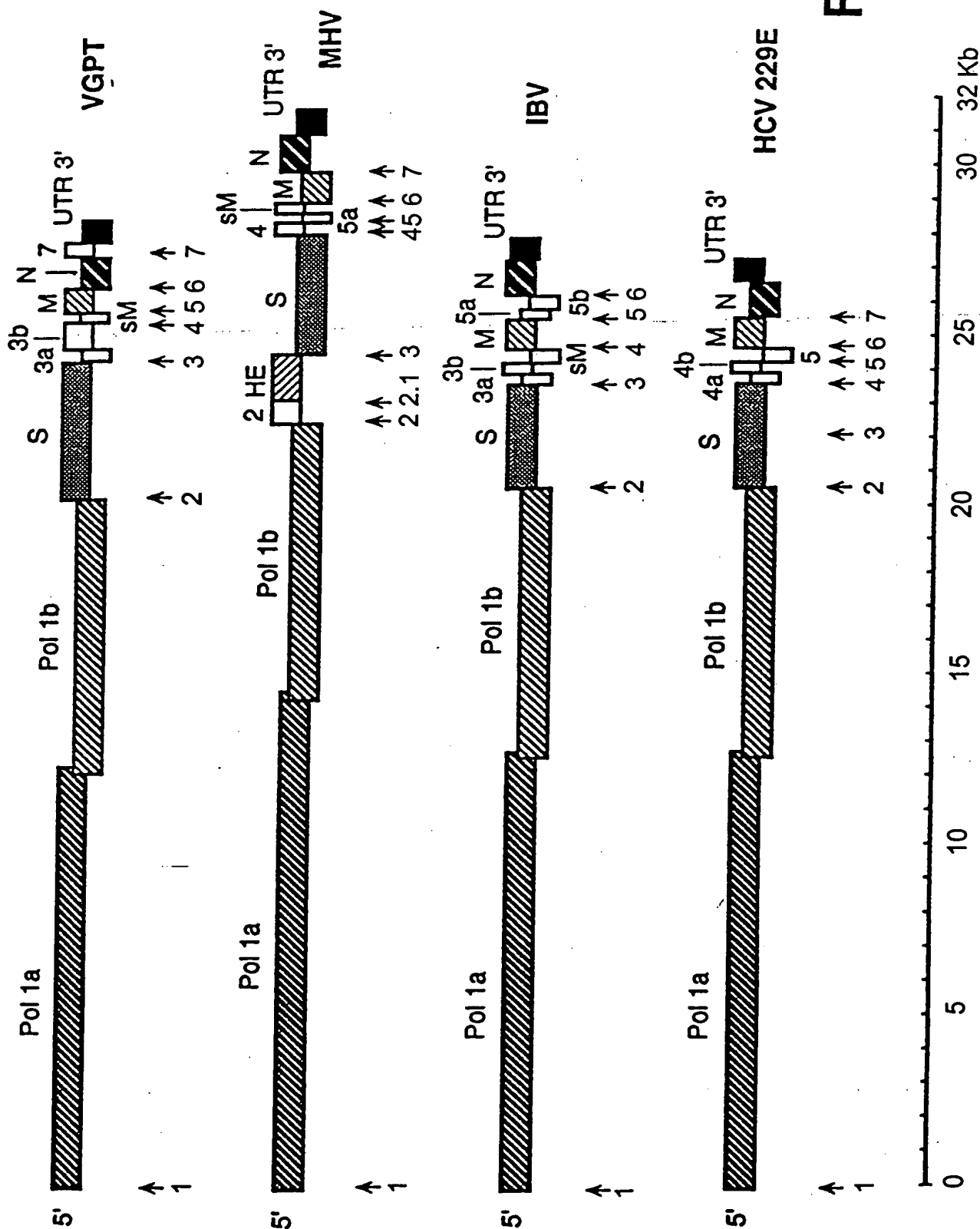
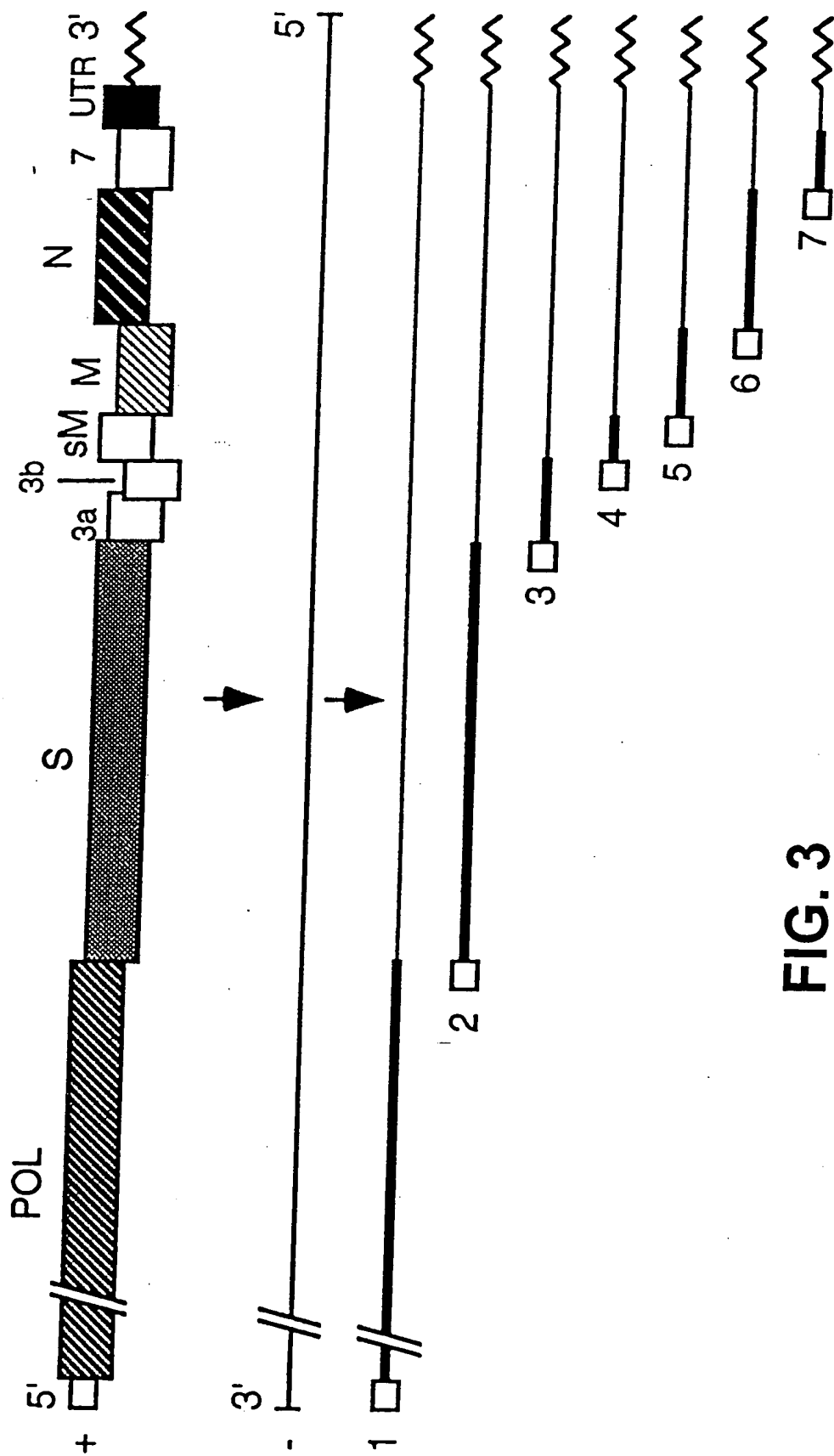


FIG. 2



**FIG. 3**

4/27

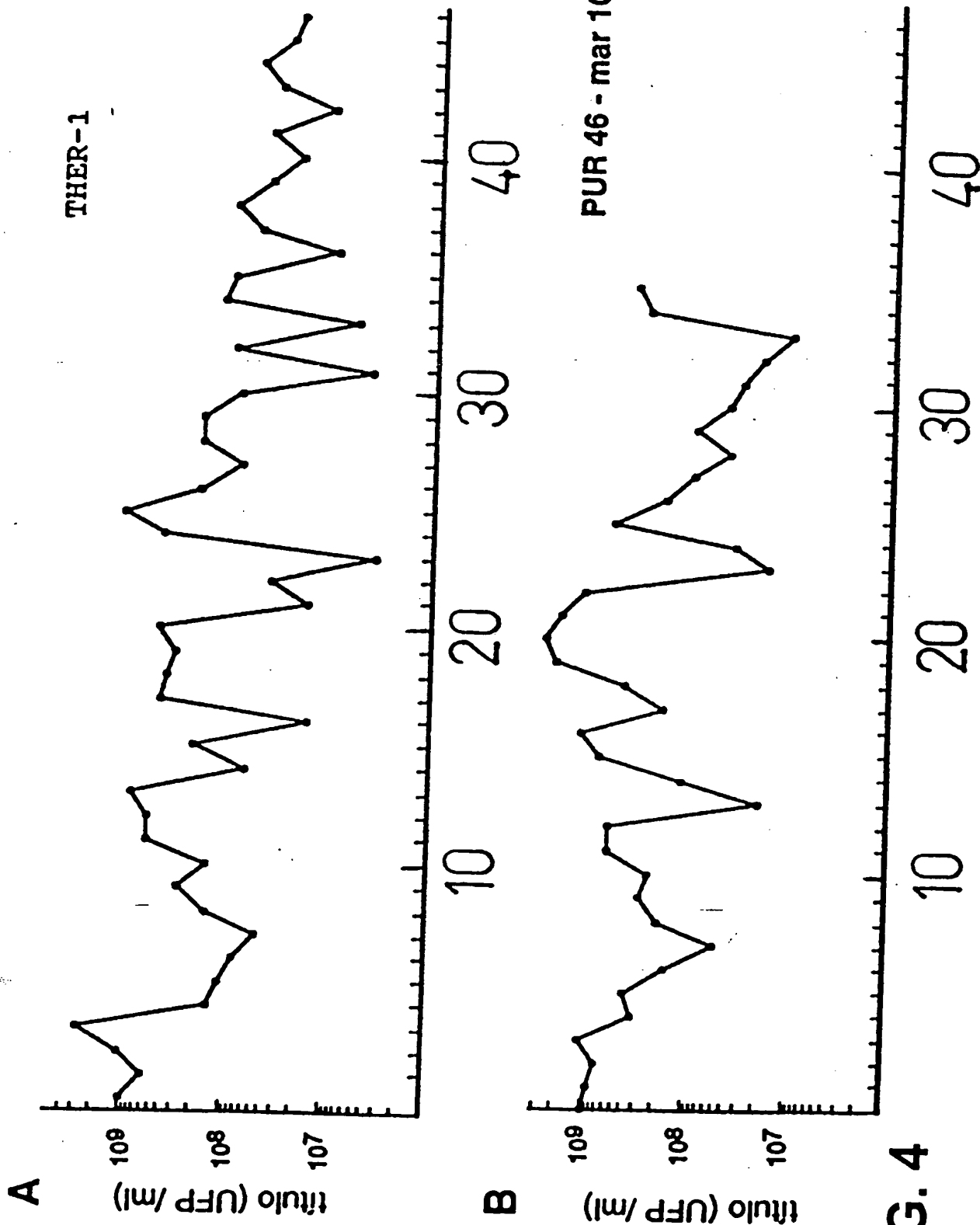
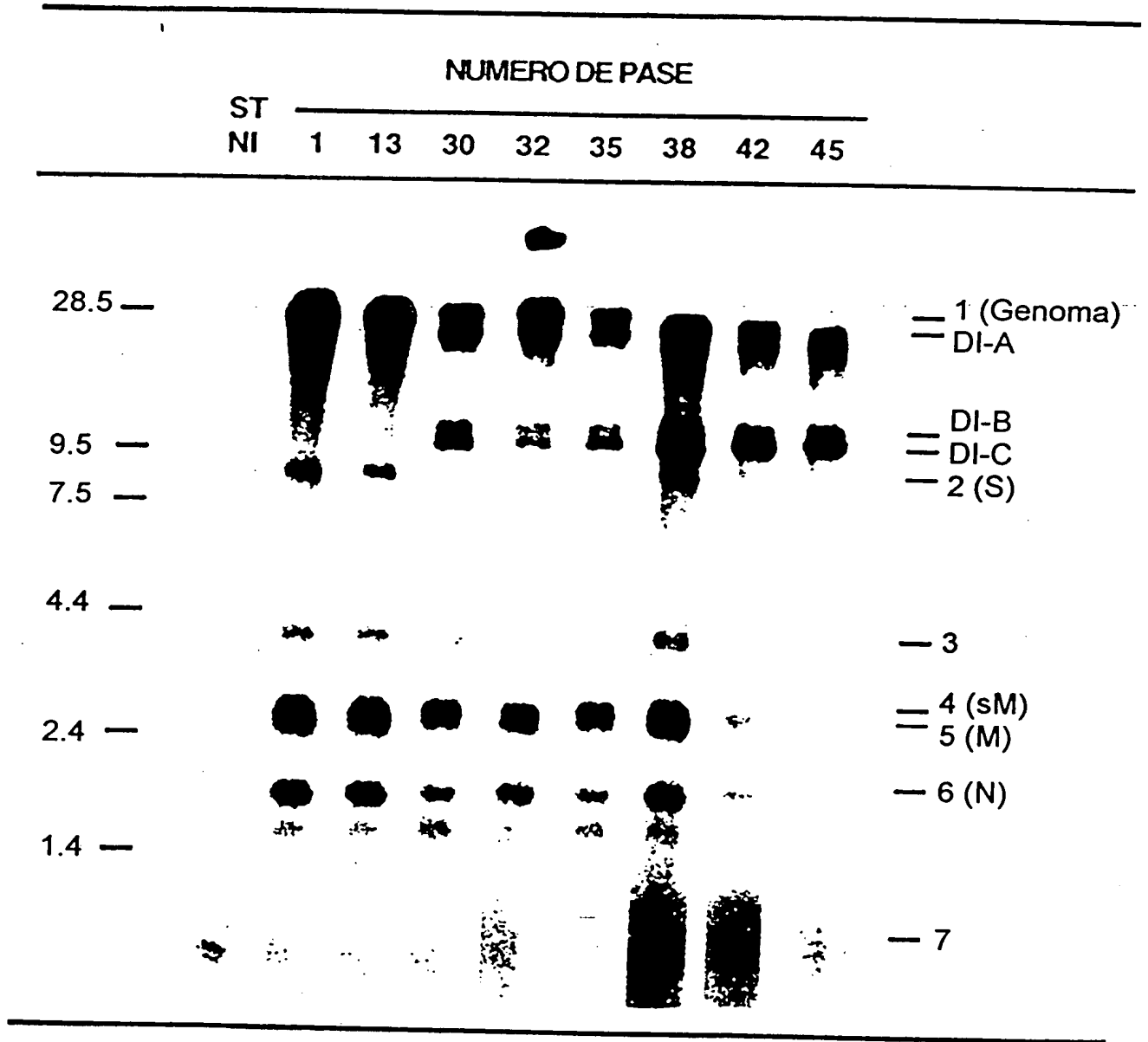


FIG. 4

5/27



**FIG. 5**

6/27

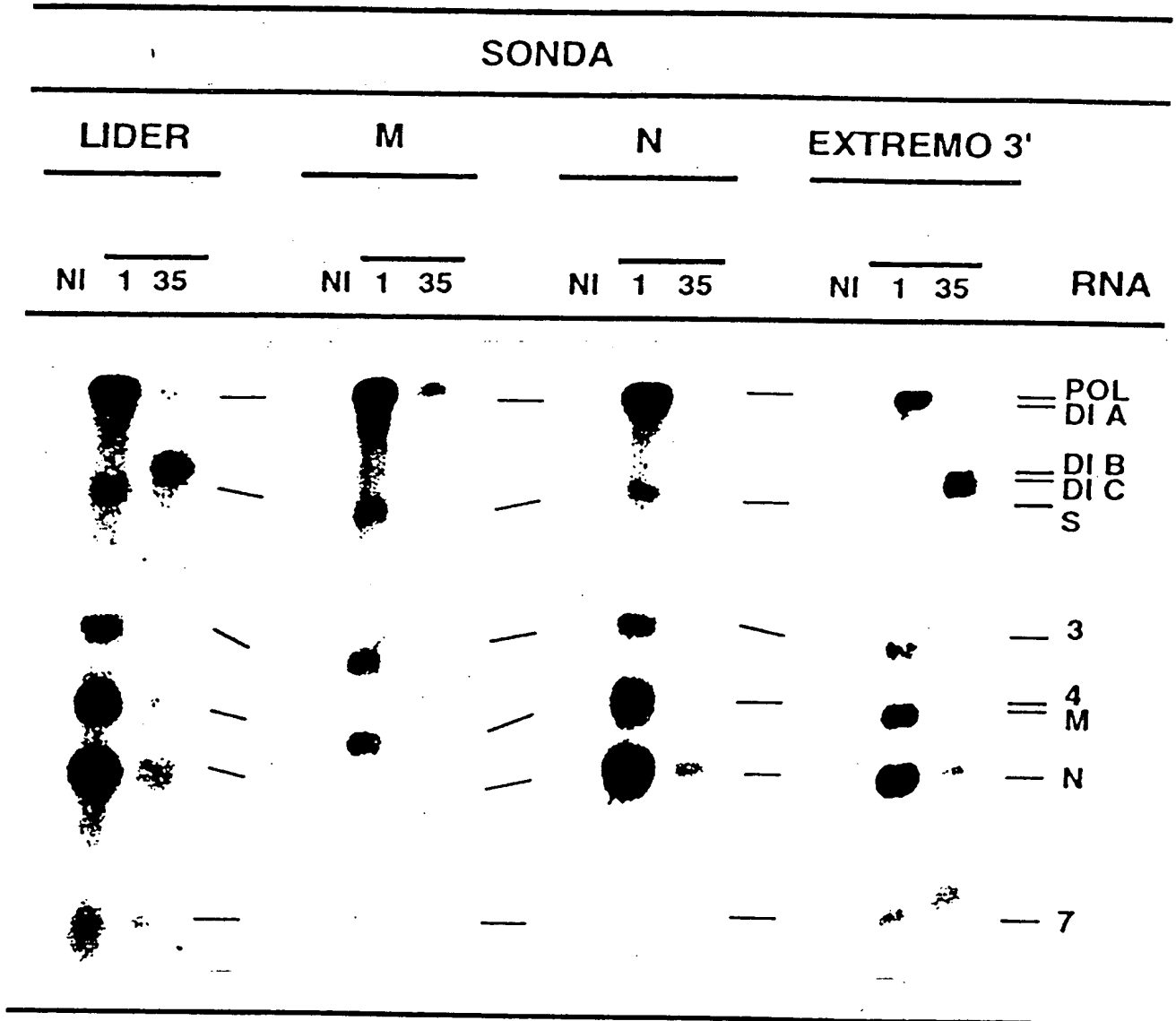


FIG. 6

09155003 091493

7/27

THER-1					
p1	p41				
mdi	mdi (ufp/ célula)				
10	10 <sup>-3</sup>	10 <sup>-2</sup>	10 <sup>-1</sup>	10	RNA

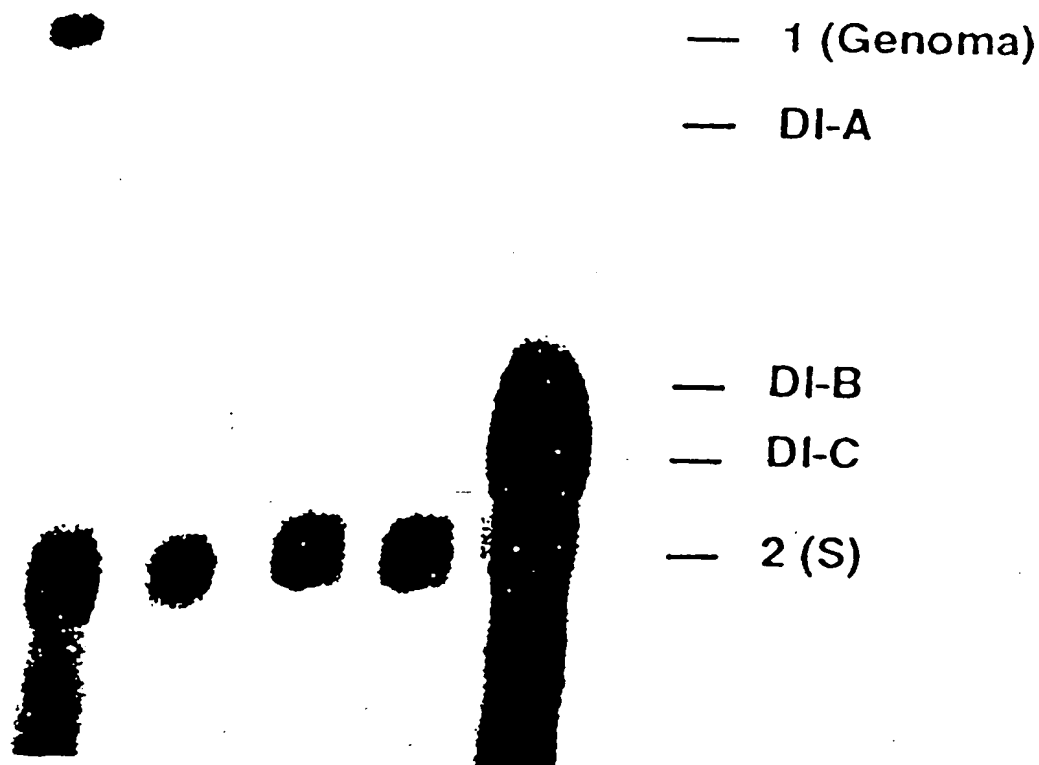
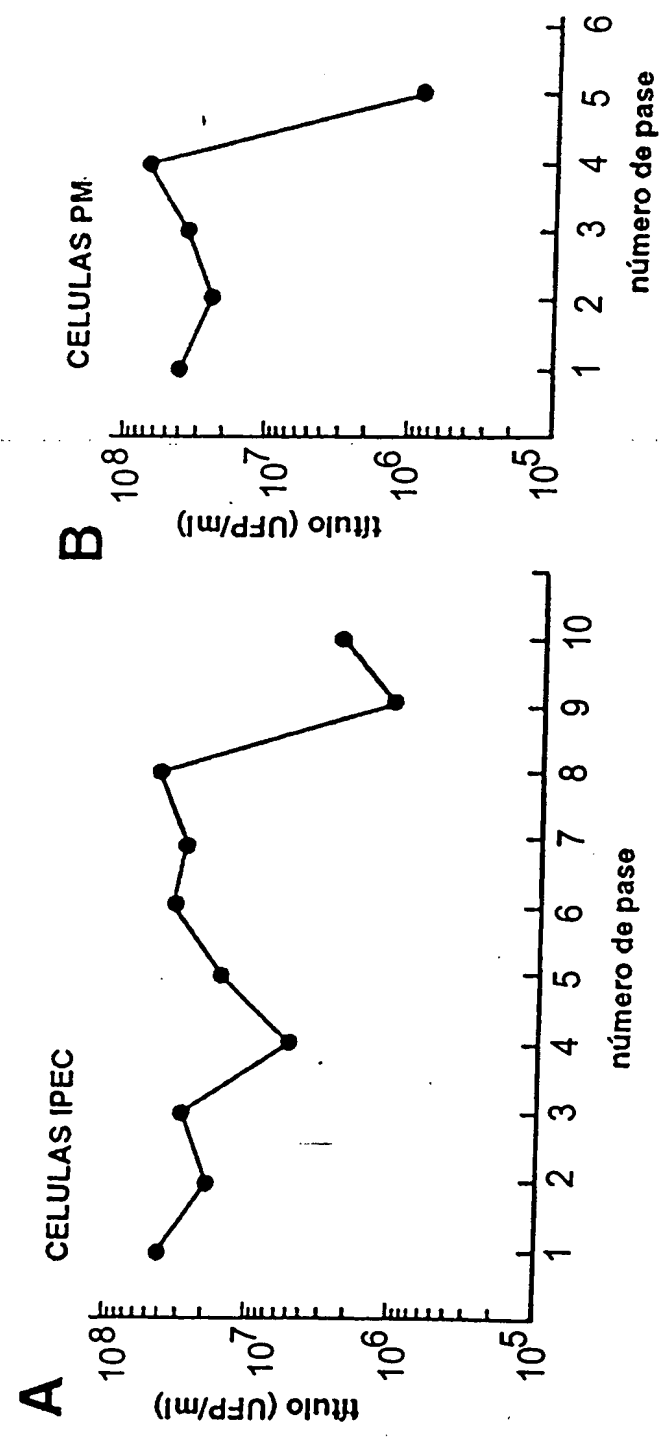


FIG.7

0055003T60

8/27



THER-1-STp46

**C**

n° de pase en células IPEC		n° de pase en células PM-2	
1	10	1	5
RNA		RNA	

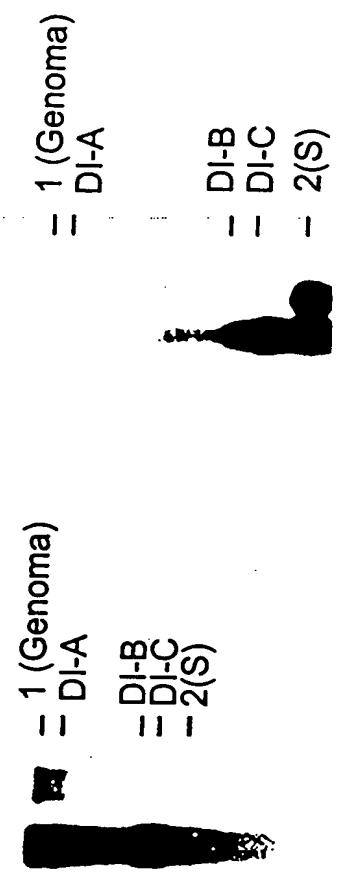


FIG.8



9/27

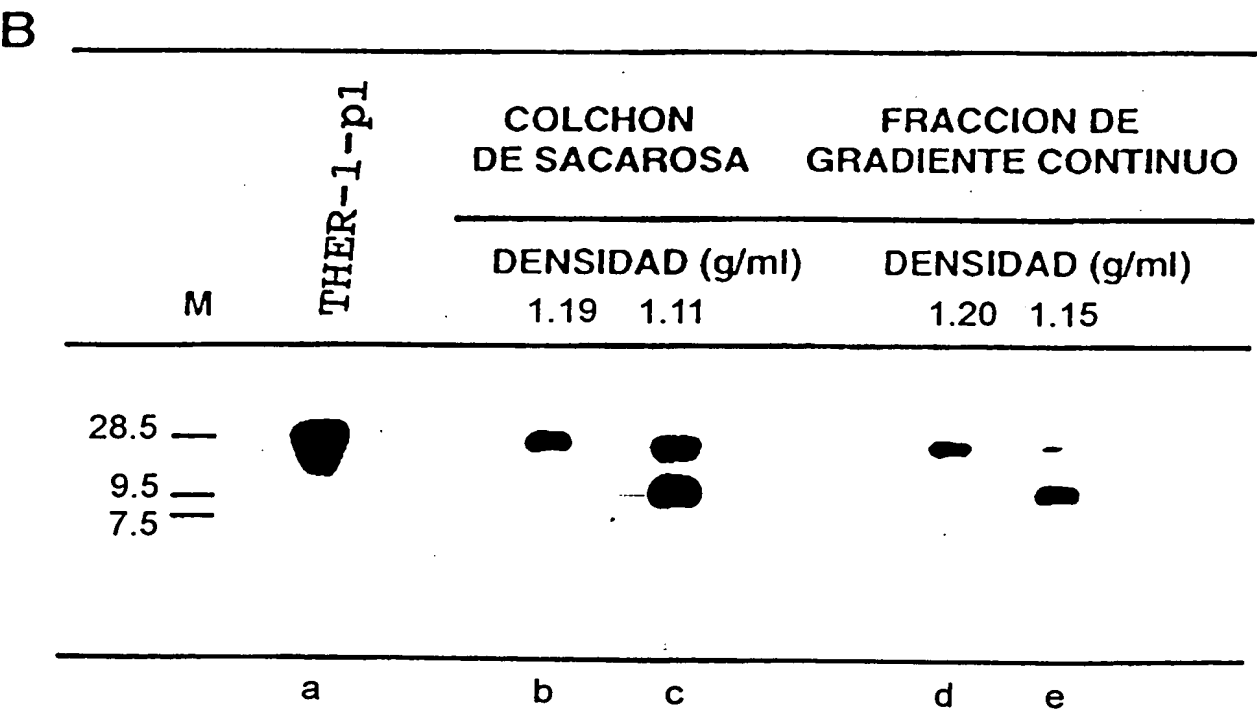
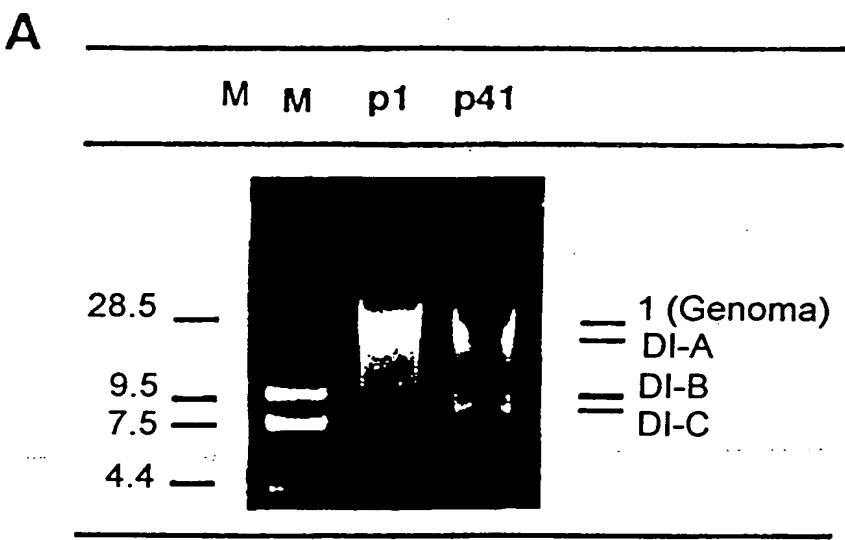
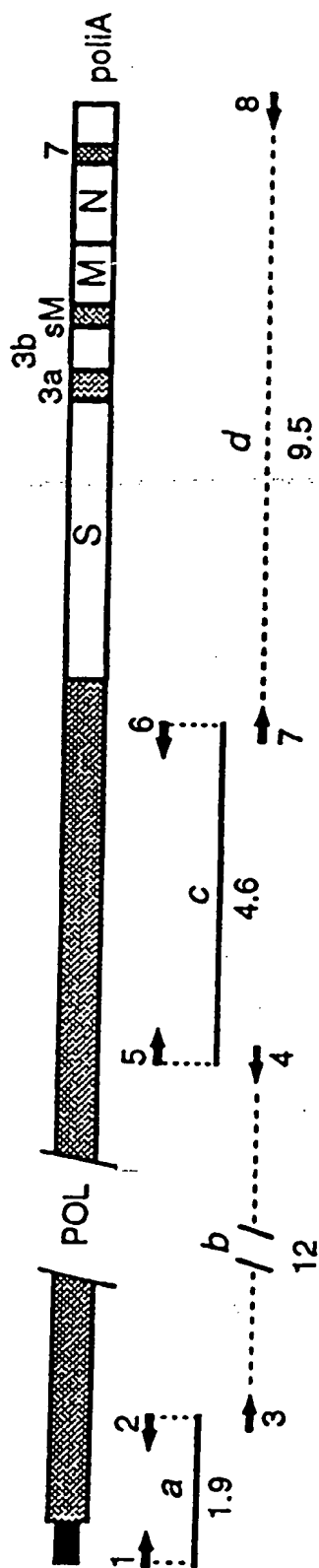


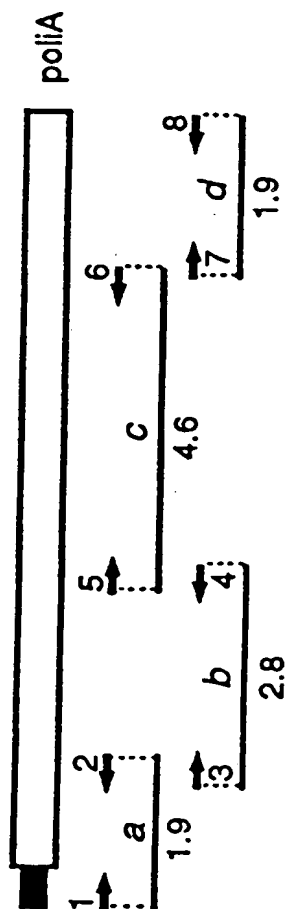
FIG.9

10/27

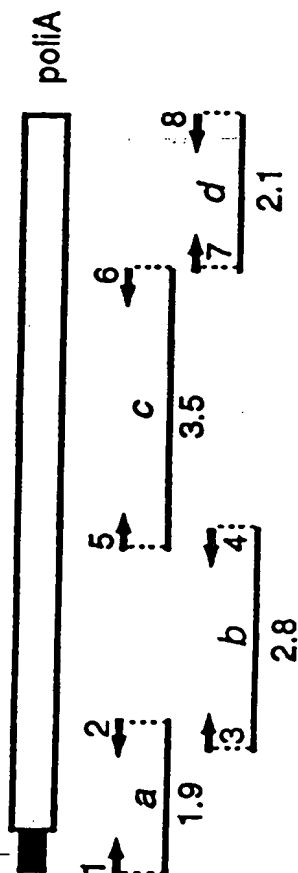
# **A** RNA genómico (28.5 kb)



# **B** DI-B (~10.6 kb)



# **C** DI-C (9.7 kb)



**FIG.10**

11/27

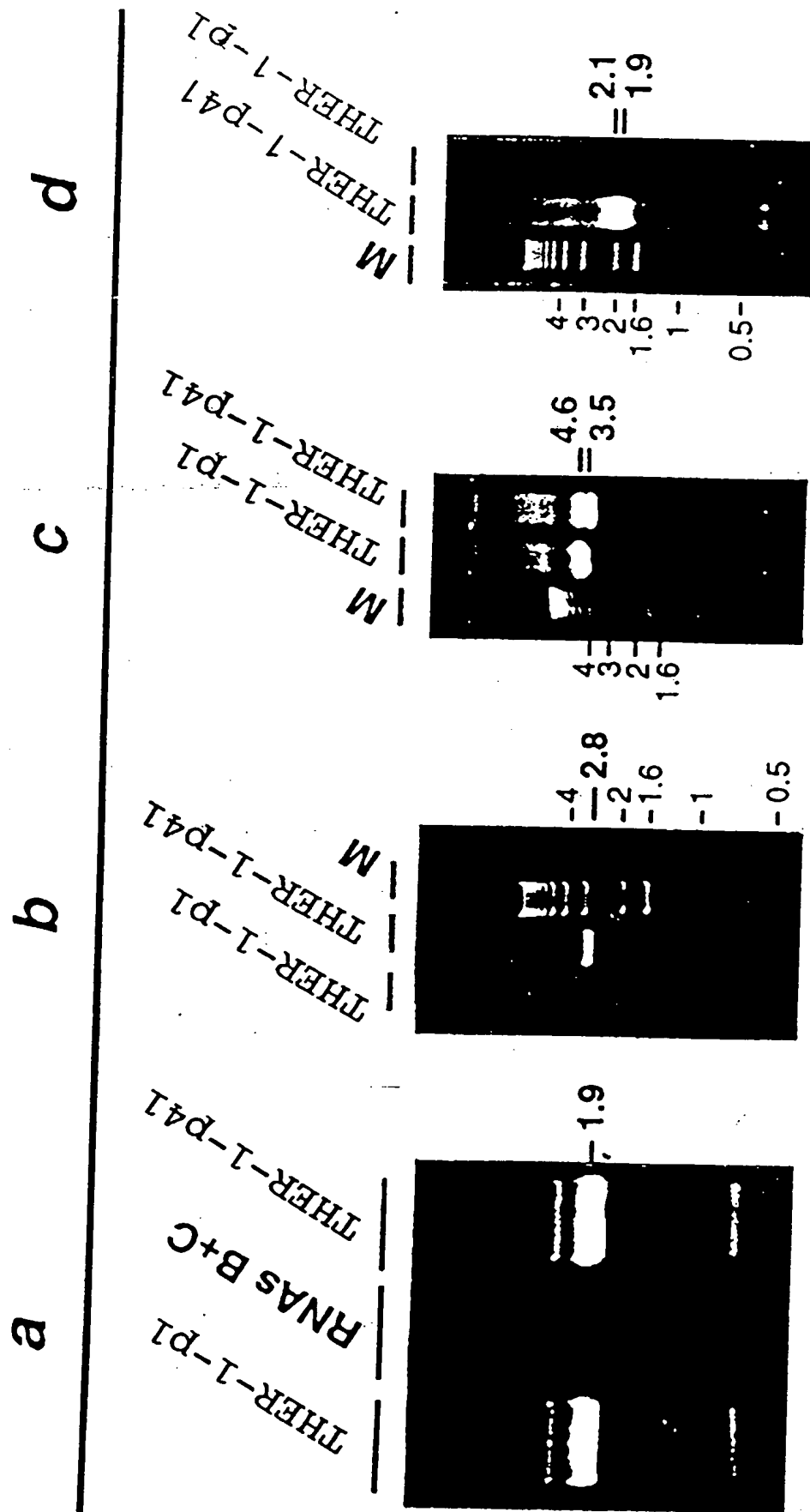


FIG.11

12/27

NCTTTAAAGTAAAGTGAGTGTAGCGTGGCTATATCTCTTTTACTTTAACTAGCCTTGTGCTAGATTTTGTCTTCGGACACCAACTC 90

GAAGTAAAGGAAATATTTGTCTTTCTATGAAATCATAGAGGACAAGCGTTGATTATTTCCATTGAGTTTGGCAATCACTCCTTGGAAACGG 180

M K S .

GGTTGAGCGAACGGTGCAGTAGGGTTCCGTCCTATTTTCTAAGTCGCCTAGTAGTAGCGAGTGGGTTCCGCCCGTACAACGTTGGGTA 270

GACCGGGTTCGGTCTGTGATCTCCCTCGCCGGCCGCCAGGAGAATGAGTTCCAAACAATTCAAGATCCTTGTTAATGAGGACTATCAAG 360

M S S K Q F K I L V N E D Y Q

TCAACGTGCCTAGTCTTCCTATTCGTGACGTGTTACAGGAAATTAAGTACTGCTACCGTAATGGATTGAGGGCTATGTTTTCGTACCAG 450

Y N V P S L P I R D V L Q E I K Y C Y R N G F E G Y V F V P

AATACTGTCGTGACCTAGTTGATTGCGATCGTAAGGATCACTACGTCATTGGTGTCTTGGTAACGGAGTAAGTGATCTTAAACCTGTTG 540

E Y C R D L V D C D R K D H Y V I G V L G N G V S D L K P V

TTCTTACCGAACCTCCGTCATGTTGCAAGGCITTTATTGTTAGAGCTAACTGCAATGGCGTTCTTGAGGACTTTGACCTTAAATGCTC 630

L L T E P S V N L Q G F I V R A N C N G V L E D F D L K I A

GCACTGTCAGAGGTGCCATATATGTTGATCAATACATGTGTGGTCTGATGAAAACAGTCATTGAAGGCGATTTTAAGGACTACTTCG 720

R T V R G A I Y V D Q Y N C G A D G K P V I E G D F K D Y F

GTGATGAAGACATCATTGAATTTGAAGGAGAGGAGTACCATTGCGCTTGACAACGTGCGCGATGAGAAACCGCTGAATCAGCAAACCTC 810

G D E D I I E F E G E E Y H C A W T T V R D E K P L N Q Q T

TCTTTACCATTGAGGAAATCCAATACAATCTGGACATTCCTCATAAATTGCCAAACTGTGCTACTAGACATGTAGCACCACCAGTCAAAA 900

L F T I Q E I Q Y N L D I P H K L P N C A T R H V A P P V K

FIG. 12/1

AGAACTCTAAAATAGTTCTGTCTGAAGATTACAAGAAGCTTTATGATATCTTCGGATCACCCCTTTATGGAAATGGTCACTGTCTTAGCA 890  
K N S K I V L S E D Y K K L Y D I F G S P F H G N G D C L S  
AATGCTTTGACACTCTTCATTTTATCGCTGCTACTCTTAGATGCCCGTGTGGTTCTGAAAGTAGCGGCGTTGCAGATTGCACTGGTTTTA 1080  
K C F D T L H F I A A T L R C P C G S E S S G V G D W T G F  
AGACTGCCTGTTGTGGTCTTTCTGGCAAAGTTAAGGGTGCACCTTCGGTGATATTAAGCCTGGTGATGCTGTTGCTCACTAGTATGAGCG 1170  
K T A C C G L S G K V K G V T L G D I K P G D A V V T S H S  
CAGGTAAGGGAGTTAAGTTCTTTGCCAATTGTGTTCTTCAATATGCTGGTGATGTTGAAGGTGTCTCCATCTGGAAGTTATTTAAACTT 1260  
A G K G V K F F A N C V L Q Y A G D V E G V S I W K V I K T  
TTACAGTTGATGAGACTGTATGCACCCCTGGTTTTGAAGGCGAATTGAACGACTTCATCAAACCTGAGAGCAAATCACTAGTTGCATGCA 1350  
F T V D E T V C T P G F E G E L N D F I K P E S K S L V A C  
GCGTTAAAGAGCATTCACTACTGCTGATATTGATGATGCTGTACATGATTGTATCATTACAGGAAAATTGGATCTTACTACCAACCTTT 1440  
S V K R A F I T G D I D D A V H D C I I T G K L D L S T N L  
TTGGTAATGTTGGTCTATTATTCAAGAAGACTCCATGGTTTGTACAAAAGTGTGGTGCACCTTTTTGTAGACGCTTGGAAAGTAGTAGAGG 1530  
F G N V G L L F K K T P W F V O K C G A L F V D A W K V V E  
AGCTTTGTGGTTCACTCACACTTACATACAAGCAAATTTATGAAGTTGTAGCATCACTTTGCACTTCTGCTTTTACCATTGTAAACTACA 1620  
E L C G S L T L T Y K Q I Y E V V A S L C T S A F T I V N Y  
AGCCAACATTTGTGGTTCCAGACAATCGTGTTAAAGATCTTGTAGACAAGTGTGTGAAAGTCTTGTAAAAGCATTTCATGTTTTTACCG 1710  
K P T F V V P D N R V K D L V O K C V K V L V K A F O V F T

FIG. 12/2

AGATTATCACAATAGCTGGTATTGAGGCCAAATGCTTTGCTTGGTGCTAAATACCTGTTGTTCAATAATGCACTTGTCAAACTTGTC 1800  
 Q I I T I A G I E A K C F V L G A K Y L L F N H A L V K L V  
 GTGTTAAATCCTTGGCAAGAAGCAAAAGGGTCTTGAATGTCATTCTTTGCTACTAGCTTGGTTGGTGCACCTGTTAATGTGACACCTA 1890  
 S V K I L G K K Q K G L E C A F F A T S L V G A T V N V T P  
 AAAGAACAGAGACTGCCACTATCAGCTTGAACAAGGTTGATGATGTTGTAGCACCAGGAGAGGGTTATATCGTCATTGTTGGTGATATGG 1980  
 K R T E T A T I S L N K V D D V V A P G E G Y I V I V G D M  
 CTTTCTACAAGAGTGGTGAATATTATTTTCATGATGTCTAGTCCTAATTTTGTCTTACTAACAATGTTTTTAAAGCAGTTAAAGTTCCAT 2070  
 A F Y K S G E Y Y F H H S S P H F V L T N H V F K A V K V P  
 CTTATGACATCGTTTATGATGTTGATAATGATACAAAAGCAAAATGATTGCAAAACTTGGTTCATCATTGAACAAATACCAACTGGCA 2160  
 S Y D I V Y D V D N D T K S K H I A K L G S S F E Q I P T G  
 CACAAGATCCAATTCGGTCTGTATTGAAAATGAAGTTTGTGTTGTCTGTGTTGTTGGCTTAACAATGGTTGCATGTCCGATCGTACTT 2250  
 T Q D P 1 R F C I E N E V C V V C G C W L N N G C H C D R T  
 CTATGCACAGTTTTACTGTTGATCAAACTTATTAAAGCAGTGGGGGTCTAGTGCAGCTGGATACAAACCTGCAATGGTACTGATCC 2340  
 • S K L F K R V R G S S A A R L E P C N G T D P  
 S H Q S F T V D Q S Y L N E C G V L V Q L D •  
 AGACCATGTTAGTAGAGCTTTTGACATCTACAACAAAGATGTTGCGTGTATTGCTAAATTCCTTAAGACCAATTGTTCAAGATTTAGGAA 2430  
 D H V S R A F D I Y N K D V A C I G K F L K T N C S R F R N  
 TTTGGACAAACATGATGCCTACTACATTGTCAAACGTTGTACAAAGACCGTTATGGACCATGAGCAAGTCTGTTATAACGATCTTAAAGA 2520  
 L D K H D A Y Y I V K R C T K T V M D H E Q V C Y N D L K D

TTCTGGTGCTGTTGCTGAGCATGACTTCTTCACATATAAAGAGGGTAGATGTGAGTTCGGTAATGTTGCACGTAGGAATCTTACAAAGTA 2610  
S G A V A E H D F F T Y K E G R C E F G N V A R R N L T K Y

CACAATGATGCATCTTTGTTACGCTATCAGAAATTTTGATGAAAAGAACTGTGAAGTTCTCAAAGAAATACTCGTGACAGTAGGTGCTTG 2700  
T H M D L C Y A I R N F D E K N C E V L K E I L V T V G A C

CACTGAAGAATTCTTTGAAAATAAGATTGGTTTGATCCAGTTGAAAATGAAGCCATACATGAAGTTTATGAAAACCTGGACCCATTGT 2790  
T E E F F E N K D W F D P V E N E A I H E V Y A K L G P I V

AGCCAATGCTATGCTTAAATGTGTGCTTTTTGCGATGCGATAGTGAAAAAGCCTATATAGGTGTTATAACACTTGACAACCAAGATCT 2880  
A N A M L K C V A F C D A I V E K G Y I G V I T L D N Q D L

TAATGGCAATTTCTACGATTTCCGGGATTTGCTGAAGACTGCTCCGGGTTTTGGTTGCGCTTGTGTTACATCATATTATTCTTATATGAT 2970  
N G N F Y D F G D F V K T A P G F G C A C V T S Y Y S Y M H

GCCTTTAATGGGATGACTTCATGCTTAGACTCTGAAAACCTTTGTGAAAAGTGACATCTATGCTTCTGATTATAAGCAGTATGATTTACT 3060  
P L M G M T S C L E S E N F V K S D I Y G S D Y K Q Y D L L

AGCTTATGATTTTACCGAACATAAGGAGTACCTTTTCCAAAAATACTTTAAGTACTGGGATCGCACATATCACCCAAATTGTTCTGATTG 3150  
A Y D F T E H K E Y L F Q K Y F K Y W D R T Y H P N C S D C

TACTAGTGACGAGTGTATTATTCATTGTGCTAATTTTAAACACATTGTTTTCTATGACAATACCAATGACAGCTTTTGGACCACTTGTCGG 3240  
T S D E C I I H C A N F N T L F S M T I P M T A F G P L V R

TAAAGTTCATATTGATGGTGTACCACTAGTTGTTACTGCAGGTTACCATTTCAAACAACCTGGTATAGTATGGAATCTTGATGTAAAATT 3330  
K V H I D G V P V V Y T A G Y H F K Q L G I V W N L D Y K L

AGACACAATGAAGTTGAGCATGACTGATCTTCTTAGATTTGTACACATCCAACACTTCTGTAGCATCAAGCCCTGCACCTTTTAGACCA 3420  
D T M K L S M T D L L R F V T D P T L L V A S S P A L L O O

CGGTACTGTCTGTTTCTCCATTGCAGCTTTGAGTACTGGTATTACATATCAGACAGTAAACCAGGTCACCTTTAACAAGGATTTCTACGA 3510  
R T V C F S I A A L S T G I T Y Q T V K P G H F N K D F Y D

TTTCATAACAGAGCGTGGATTCTTTGAAGAGGGATCTGAGTTAACATTAAACATTTTTCTTTGCACAGGCTGGTGAAGCTGCTATGAC 3600  
F I T E R G F F E E G S E L T L K H F F F A Q G G E A A H T

AGACTTCAATTATTATCGCTACAATAGAGTCACAGTACTTGATATTTGCCAAGCTCAATTTGTTTACAAAATAGTTGGCAAGTATTTTGA 3690  
D F N Y Y R Y N R V T V L D I C Q A Q F V Y K I V G K Y F E

ATGTTATGACGGTGGGTGCATTAATGCTCGTGAAGTTGTTGTTACAACTATGACAAGAGTCTGGCTATCCTTTGAACAAATTTGGTAA 3780  
C Y D G G C I N A R E V V Y T N Y D K S A G Y P L N K F G K

AGCTAGACTTTACTACGAACTCTTTCATATGAAGAGCAGGATGCACCTTTTTGCTTTAACAAGAGAAATGTTTACCCACAATGACTCA 3870  
A R L Y Y E T L S Y E E Q D A L F A L T K R H V L P I R I D

AATGAATTTGAAATACGCTATTTCTGGTAAGGCAAGAGCTCGTACAGTAGGAGGAGTTTCACTTCTTTCTACCATGACTACGAGACAATA 3960  
H N L K Y A I S G K A R A R T Y G C Y S L L S Y H T I R D Y

TCATCAGAAGCATTGGAAGTCAATTGCTGCAACAGCAATGCTACTGTGGTCATTGGTTCAACCAAGTTTTATGGTGGTTGGGACAATAT 4050  
H Q K H L K S I A A T R N A T Y V I C S T K F Y C G V D N H

GCTTAAAATTTAATGCGTGATGTTGATAATGGTTGTTTGATGGCATGGCACTATCCTAAGTGTGACCGTGCTTTACCTAATATGATTAG 4140  
I K H L H R D Y D H C C L H G V D Y P K E D R A L P H H I R

AATGGCTTCTGCCATGATATTAGGTTCTAAGCATGTTGGTTGTTGTACACATAATGATAGGTTCTACCGCCTCTCCAATGAGTTAGCTCA 4230  
H A S A H I L C S K H Y S C C T H H D R F Y R L S H E I A Q

FIG. 12/5



AGTACTCACAGAAGTTGTGCATTGCACAGGTGGTTTTATTTTAAACCTGGTGGTACAACCTAGCGGTGATGGTACTACAGCATATGCTAA 4320  
 V L I E V V H C T G G F Y F K P G G I T S G D C T T A Y A H

CTCTGCTTTTAACATCTTTCAAGCTGTTTCTGCTAATGTTAATAAGCTTTTGGGGTTGATTCAAACGCTTGAACAACGTTACAGTAAA 4410  
 S A F H I F O A V S A H V N K L L C V D S H A C N H Y I Y K

ATCCATACAACGTAAAATTACGATAATTGTTATCGTAGTAGCAGCATTGATGAAGAATTGTTGTTGAGTACTTTAGTTATTGAGAAA 4500  
 S I D R K I Y D H C Y P S S S I D E E F V Y E Y F S Y L R K

ACACTTTTCTATGATGATTTTATCTGATGATGGAGTTGTGTGCTACAACAAAGATTATCGCGATTAGGTTATGTAGCTGACATTAATGC 4590  
 H F S H H I L S D D G V Y C Y N K D Y A D L G Y V A D I N A

### POLIMERASA

TTTAAAGCAACACTTTATTACCAGAATAACGTCTTTATGTCCACTTCTAAGTGTGGGTAGAACCAGATCTTAGTGTGGACCACATGA 4680  
 F K A T L Y Y Q N N V F H S T S K C V V E P D L S Y C P H E

ATTTTGTTACAGCATACATTGCAGATTGTTGGCCTGATGGAGACTACTATCTTCCCTATCCAGACCCGTCAGAAATTTGTCAGCTGG 4770  
 F C S Q H T L Q I Y G P D G D Y Y L P Y P O P S R I L S A G

TGTGTTTGTGATGACATAGTTAAAAACAGACAATGTTATTATGTTAGAACGTTACGTGTCATTGGCTATTGACGCATACCCGCTCACAAA 4860  
 V F V D D I V K T D N V I H L E R Y V S L A I D A Y P L T K

ACACCCTAAGCCTGCTTATCAAAAAGTGTTTTAACTCTACTAGATTGGGTAAACATCTACAGAAAAATTTGAATGCAGGTGTTCTTGA 4950  
 H P K P A Y Q K V F Y T L L D W V K H L Q K N L N A G V L D

TTCGTTTTCAGTGACAATGTTAGGAAGGTCAAGATAAGTTCTGAGTGAAGAGTTTTACGCTAGCCTCTATGAAAAGTCCACTGTCTT 5040  
 S F S V T H L E E G Q D K F W S E E F Y A S L Y E K S T V L

### DEDOS DE ZINC

GCAAGCTGCAGGCATGTGTGTAGTATGTGGTTCGAAACTGTACTTCGTTGTGGAGACTGTCTTAGGAGACCACTTTTATGCACGAAATG 5130  
 D A A C H C Y Y C C S O T V L R C G D C L R R P L L C T K C

FIG. 12/6

18/27

TGCTTACGACCATGTTATGGGAACAAAGCATAAATTCATTATGTCTATCACACCATATGTGTGTAGTTTTAATGGTTGTAATGTCAATGA 5220

A Y D H V H C I K H K F I H S I I P Y V C S F N G C N V N D

DEDOS DE ZINC

TGTTACAAAGTTGTTTTAGGTGGTCTTAGTTATTATTGTATGAACCACAAACCACAGTTGTCATTCCCCTCTGTGCTAATGGCAACGT 5310

V T K L F L G G L S Y Y C H N H K P Q L S F P L C A N G N V

TTTTGGTCTATATAAAAGTAGTGCAGTCGGCTCAGAGGCTGTGAAGATTTCAACAACTTGCAGTTTCTGACTGGACTAATGTAGAAGA 5400

F G L Y K S S A V G S E A V E D F N K L A V S D W T N Y E D

CTACAACTTGCTAACAATGTCAAGGAATCTCTGAAAATTTTCGCTGCTGAACTGTGAAAGCTAAGGAGGAGTCTGTAAATCTGAATA 5490

Y K L A N N V K E S L K I F A A E T V K A K E E S V K S E Y

TGCTTATGCTGTATTAAAGGAGGTTATCGGCCCTAAGGAAATTGTAAGCTTCTAAGACTAAGCCTCCACTTAACAGAAA 5580

A Y A V L K E V I G P K E I V L Q W E A S K T K P P L N R N

TTCAGTTTTACGTGTTTTAGATAAGTAAGGATACTAAAATTCATTAGGTGAATTTGTGTTTGAGCAATCTGAGTACGGTAGTGATT 5670

S V F T C F Q I S K D T K I Q L G E F V F E Q S E Y G S D S

TGTTTATTACAAGACGACGAGTACTTACAAATTGACACCAGGTATGATTTTTGTGTTGACTTCTCATAATGTGAGTCCTCTTAAAGCTCC 5760

V Y Y K S T S T Y K L T P G H I F V L T S H N V S P L K A P

AATTTTAGTCAACCAAGAAAAGTACAATACCATATCTAAGCTCTATCCTGTCTTTAATATAGCGGAGGCCTATAATACACTGGTTCCTTA 5850

I L V N Q E K Y N T I S K L Y P Y F N I A E A Y N I L V P Y

CTACCAATGATAGGTAAGCAAAAATTTACAACCTATCCAAGGCTCCTCTGGTAGCGGTAAATCTCATTGTGTTATAGCTTTGGGTTTGA 5940

Y D H I C K Q K F I T I Q C P P C S G K S H C V I G L C L Y

HELICASA

FIG. 12/7

09/155003 E0055T60

19/27

TTACCCCTCAGGCGAGAATAGTCTACACTGCATGTTCTCATGCGGCTGTAGACGCTTTATGTGAAAAAGCAGCCAAAACTTCAATGTTGA 6030  
 Y P Q A R I V Y T A C S H A A Y D A L C E K A A K H F N Y D

TAGATGTTCAAGGATAATACCTCAAAGAATCAGAGTTGATTGTTACACAGGCTTTAAGCCTAATAACACCAATGCGCAGTACTTGTGTTTG 6120  
 R E S R I I P Q R I R Y D C Y T G F K P N N T N A D Y L F C

TACTGTTAATGCTCTACCAGAAGCAAGTTGTGACATTGTTGTAGTTGATGAGGCTCTATGTGTACTAATTATGATCTTAGTGTCATAAA 6210  
 T V N A L P E A S C D I V V V D E V S M C T N Y D L S V I N

TAGCCGACTGAGTTACAAACATATTGTTTATGTTGGAGACCCACAGCAGCTACCAGCTCCTAGAACTTTGATTAATAAGGGTGACTTCA 6300  
 S R L S Y K H I V Y V G D P Q Q L P A P R T L I N K G V L Q

ACCGCAGGATTACAATGTTGTAACCAAAAGAATGTGCACACTAGGACCTGATGTCTTTTGCATAAATGTTACAGGTGCCCAGCTGAAAT 6390  
 P Q D Y N V V T K R M C T L G P D V F L H K C Y R C P A E I

TGTTAAACAGTCTCTGCACTTGTGTTATGAAAATAAATTTGTACCTGTCAACCCAGAATCAAAGCAGTGCTTCAAATGTTTGTAAGG 6480  
 V K T V S A L V Y E N K F V P V N P E S K Q C F K N F V K G

TCAGATTGAGTCTAAGTCTTCTATAAACAACAAGCAACTAGAGGTTGTCAAGGCCCTTTTAGCACATAATCCAAAATGGCGTAA 6570  
 Q I Q I E S N S S I N N K Q L E V V K A F L A H N P K W R K

AGCTGTTTTCATCTCACCTATAATAGTCAAAATTATGTTGCTCGGCGTCTTCTTGGTTTGCAAACGCAAATGTTGGATTCCGCTCAGGG 6660  
 A V F I S P Y N S Q N Y V A R R L L G L Q T Q T V D S A Q G

TAGTGAGTATGATTACGTATCTAGCTGCTCTGAAGATTTTAACTCTGCTGCAATTCACGATGTGGTAATCCAAAAGGCATCCGTTGT 6750  
 S E Y D Y V I .

II ← I → III

GCTACAACACCAATACCATGGTTTTGTTATGATCGTGATCCTATTAATAACAATGTTAGATGTCTGCATTATGACTATATGGTACATGGT 6840

FIG. 12/8

CAAATGAATGGTCTTATGTTATTTTGAACGTGAATGTAGACATGTACCCAGAGTTTTCAATTGTTTGTAGATTTGATACTCGCACTCGC 6930  
TCTAAATTGTCTTTAGAAGGTTGTAATGGTGGTGCATTGTATGTTAATAACCATGCTTCCACACACCAGCTTATGATAGAAGAGCTTTT 7020  
GCTAAGCTTAAACCTATGCCATTCTTTTACTATGATGATAGTAATTGTGAACCTTGTGATGGGCAACCTAATTATGTACCACCTTAAGTCA 7110  
AATGTTTGCATAACAAAATGCAACATTGGTGGTGTCTGTCTGCAAGAAGCATGCTGCTCTTTACAGAGCGTATGTTGAGGATTACAACATT 7200  
TTTATGCAGGCTGGTTTACAATATGGTGTCTCAAACTTTGACACCTATATGCTTTGGCATGGTTTGTAAATAGCAAAGCACCTTCAG 7290  
AGTCTAGAAAATGTGGCTTTTAAATGTGTTAAGAAAGGTGCCCTTACCAGGTTTAAAGGTGACTTACCAACTGCTGTTATTGCTGACAAA 7380  
ATAATGGTAAGAGATGGACCTACTGACAAATGTATTTTACAAATAAGACTAGTTTACCTACAAATGTAGCTTTTGAGTTATATGCAAAA 7470  
CGCAAACCTGGACTCACACCTCCATTAAACAATACTTAGGAATTTAGGTGTTGTGCGAACATATAAGTTTGTGTTGTGGGATTATCAAGCT 7560  
GAACGTCCTTTCTCAAATTTCACTAAGCAAGTGTGTTCTTACACTGATCTTGATAGTGAAGTTGTAACATGTTTTGATAATAGTATTGCT 7650  
GGCTCTTTTGAGCGTTTTACTACTACAAGAGATGCAGTGCTTATTTCTAATAACGCTGTGAAAGGGCTTAGTGCCATTAAATTACAATAT 7740  
GGCCTTTTGAATGATCTACCTGTAAGTACTGTTGCAAATAAACCTGTGACATGGTATATCTATGTGCGCAAGAATGGTGAGTACGTCGAA 7830  
CAAATCGATAGTTACTATACACAGGACGTACTTTGAAACCTTCAAACCTCGTAGTACAATGGAAGAAGATTTTCTTAGTATGGATACT 7920  
ACACTCTTCATCCAAAAGTATGGTCTTGAGGATTATGGTTTTGAACACGTTGATTGAGATGTCTCTAAACTACCATTGGTGGTATG 8010  
CATCTTCTTATATCGCAAGTGCCTTGCAAAAATGGGTTTGTTCCTTCAAGAATTTATGAATAATTCTGACAGTACACTGAAAAGT 8100  
TGTGTATTACATATGCTGATGATCCATCTTCTAAGAATGTGTGCACTTATATGGACATACTCTTGACGATTTTGTGACTATCATTAG 8190  
AGCTTAGATCTTAATGTTGTGTCCAAAGTTGTGGATGTCATTGTAGATTGTAAGGCATGGAGATGGATGTTGTGGTGTGAGAATTCACAT 8280  
ATTAAAACCTTCTATCCACAACCTCCAATCTGCTGAATGGAATCCCGCTATAGCATGCCTACACTGTACAAAATCCAGCGTATGTGTCTC 8370  
GAACGGTGAATCTCTACAATTATGGTGCACAAGTGAATTAACCTGATGGCATTACTACTAATGTGTTAAGTATACTCAGTTGTGTCAA 8460  
TACCTTAACACTACTACATTGTGTGTACCACACAAAATGCGTGTATTGCATTTAGGAGCTGCTGGTGCATCTGCTGTTGCTCCTGCTAGT 8550  
ACTGTATTAAGAAGATGGTTACCAGATGATGCCATATTGGTTGATAATGATTTGAGAGATTACGTTTCCGACGCAGACTTCAGTGTTACA 8640

FIG. 12/9

GGTGATTGCTAGTCTTTACATCGAAGACAAGTTTGATTTGCTGCTCTGATTTATATGATGGCTCCACAAAATCAATTGACGGTGAA 8730  
 AACACGTCGAAAGATGGTTTCTTTACTTATATTAATGGTTTCATTAAGAGAAACTGTCACCTGGTGGATCTGTTGCCATTAAATCACC 8820  
 GAATTTAGTTGGAATAAAGATTTATATGAATTGATTCAAAGATTTGAGTATTGGACTGTGTTTTGTACAAGTGTAAACACGTCATCATCA 8910  
 GAAGGCTTTCTGATTGGTATTAACACTTAGGACCATACTGTGACAAAGCAATAGTAGATGGAATATAATGCATGCCAATTATATATTT 9000  
 TGGAGAACTCTACAATTATGGCTCTATCACATAACTCAGTCCTAGACACTCCTAAATCAAGTGTGTTGTAACAACGCACCTATTGTT 9090  
 AATTTAAAGAAAAAGAATTGAATGAAATGGTCATTGCTACTAAGGAAGGGTAAGTTGCTCATTAGAAATAATGGTAAGTTACTAAAC 9180  
 TTTGGTAACCACTTCGTTAACACACCATGAAAAATGCTGTATTTATTACAGTTTTAATCTTACTACTAATTGGTAGACTCCAATTATTA 9270  
 III ←+→ IV  
 H K K C C I Y Y S F N L T T N W .  
 GAAAGACTATTACTTAATCACTCTTTCAATCTTAAACTGTCAATGACTTTAATATCTTATATAGGAGTTTAGCAGAAACCAGATTACTA 9360  
 AAAGTGGTGTTCGAGTAATCTTTCTAGTCTTACTAGGATTTTGTCTACAGATTGTTAGTCACATTAATGTAAGGCAACCCGATGTCT 9450  
 AAAACTGGTTTTCCGAGGAATTACTGGTCATCGCGCTGTCTACTCTTGTACAGAATGGTAAGCACGTGTAATAGGAGGTACAAGCAACC 9540  
 CTATTGCATATTAGGAAGTTTAGATTTGATTTGGCAATGCTAGATTTAGTAATTTAGAGAAGTTTAAAGATCCGCTACGACGAGCCAACA 9630  
 ATGGAAGAGCTAACGCTGGATCTAGTGATTGTTTAAATGTAAATTTGTTTCAAAATTTTCCTTTTCATAGTGATACAAAAA 9714

FIG. 12/10

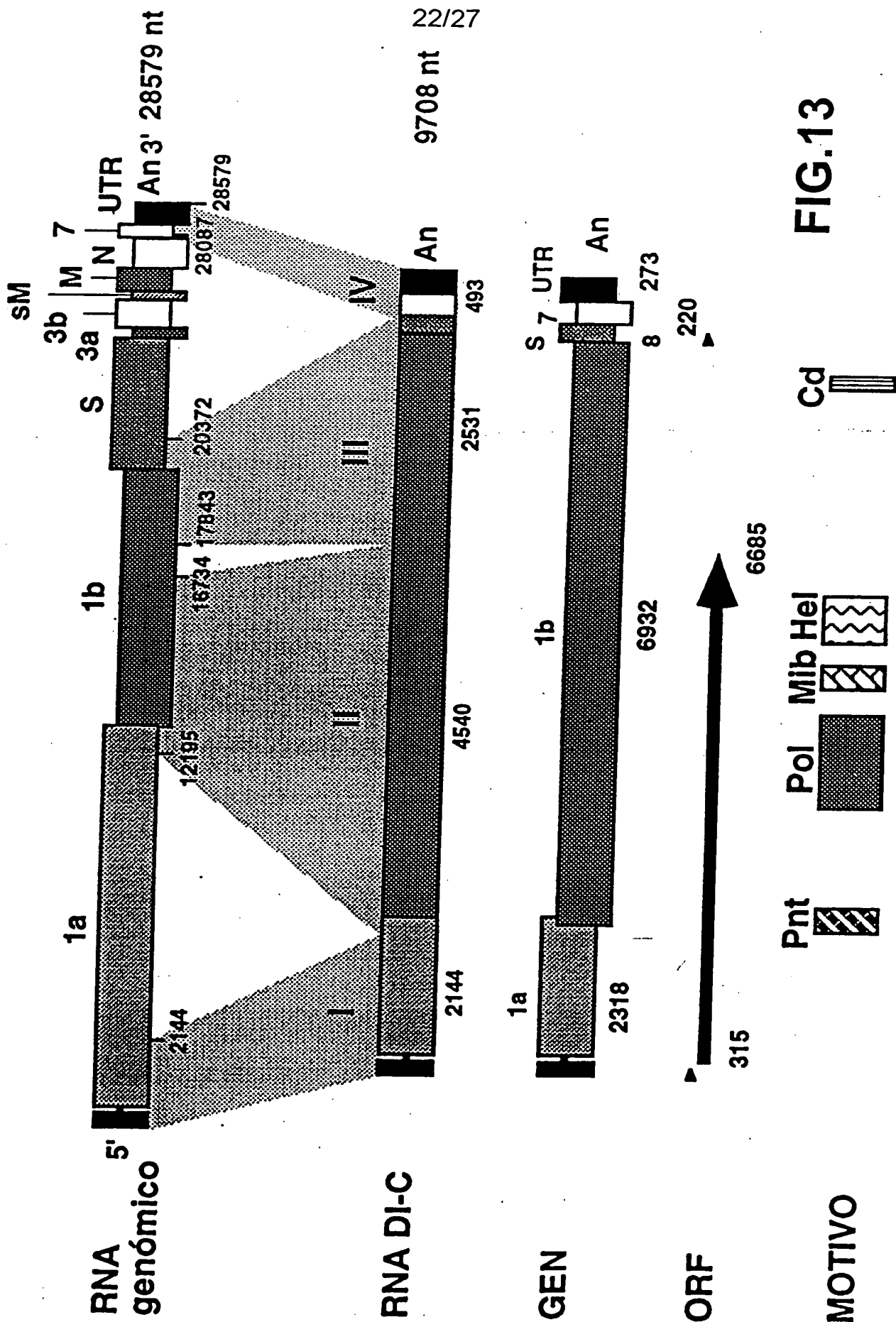


FIG.13

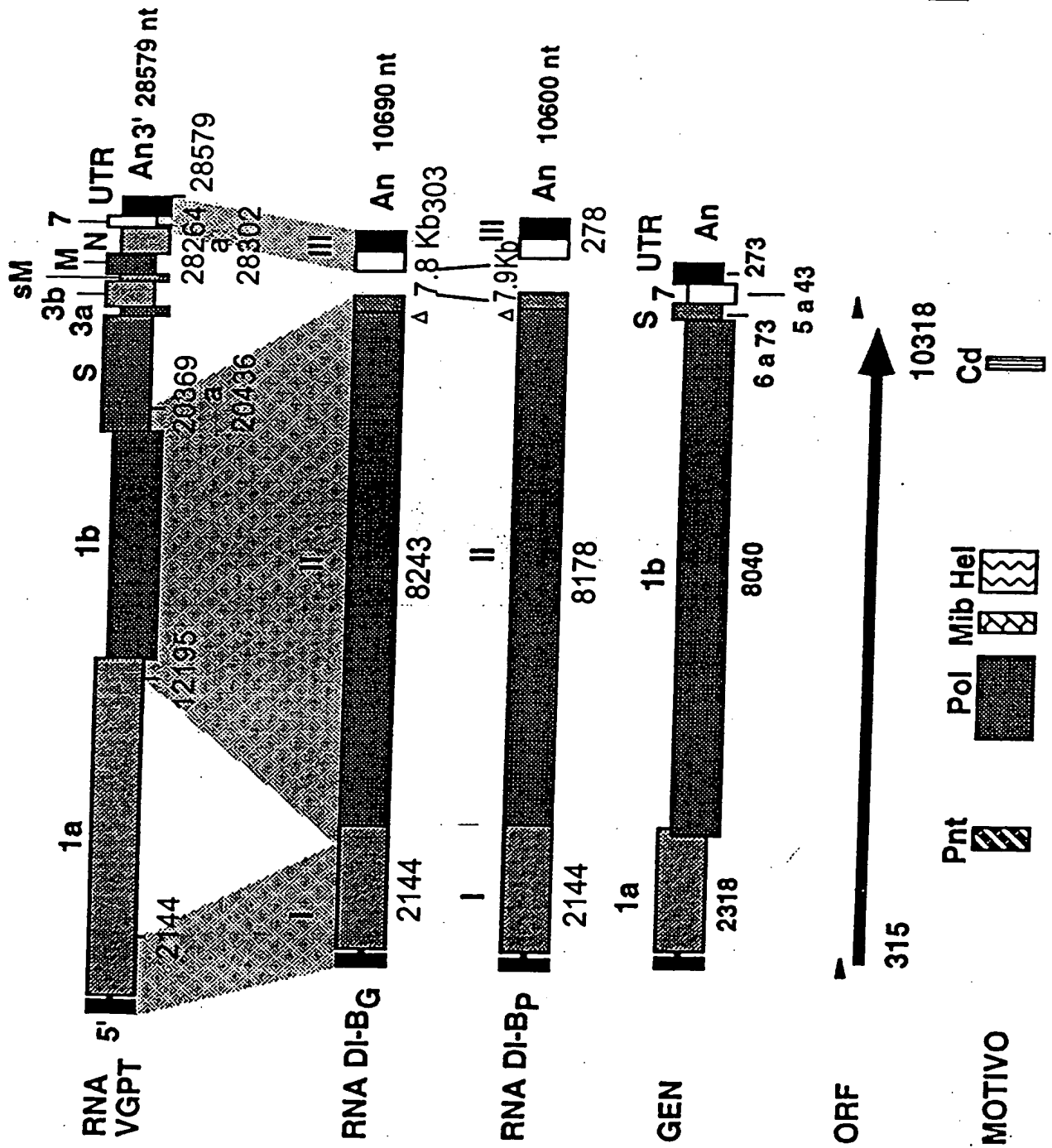


FIG.14

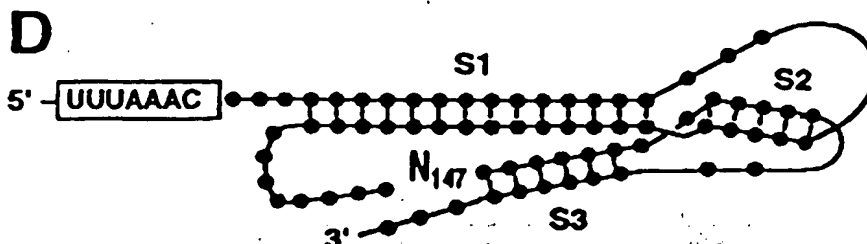
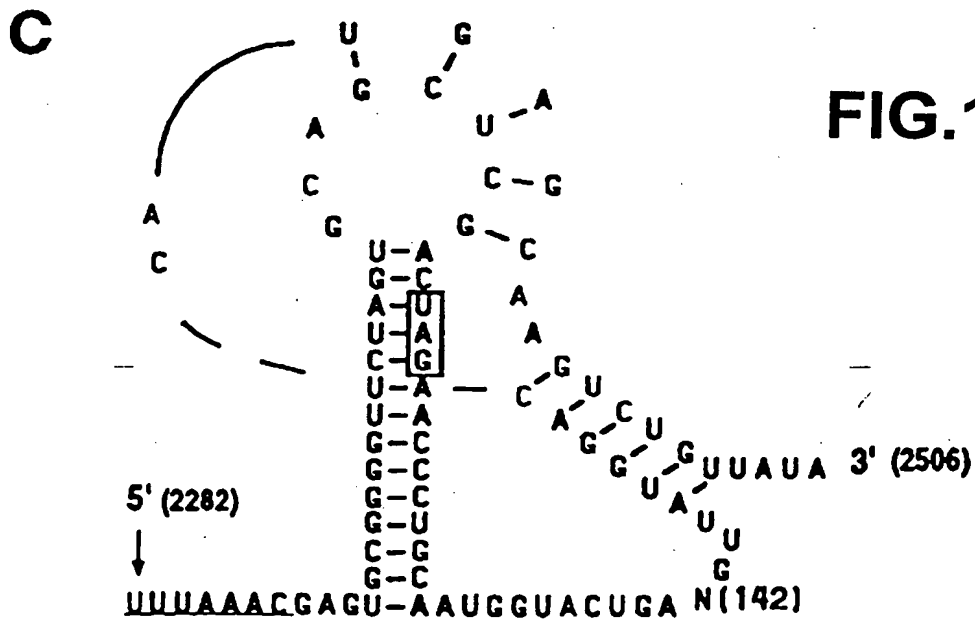
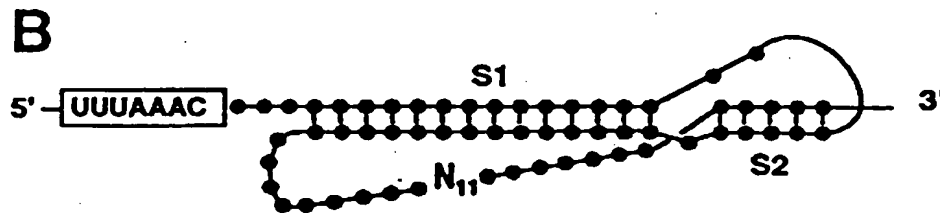
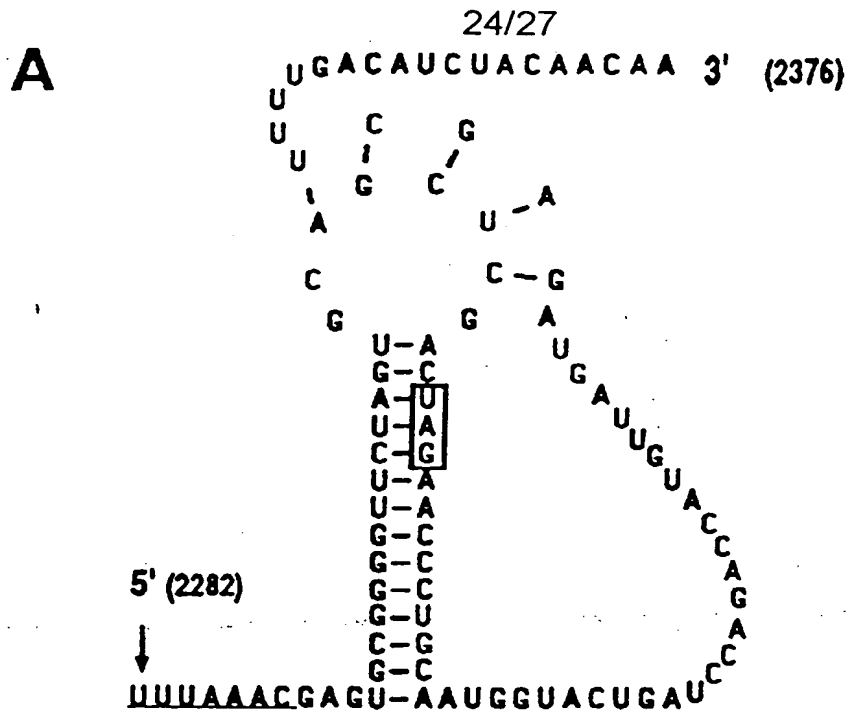


FIG.15



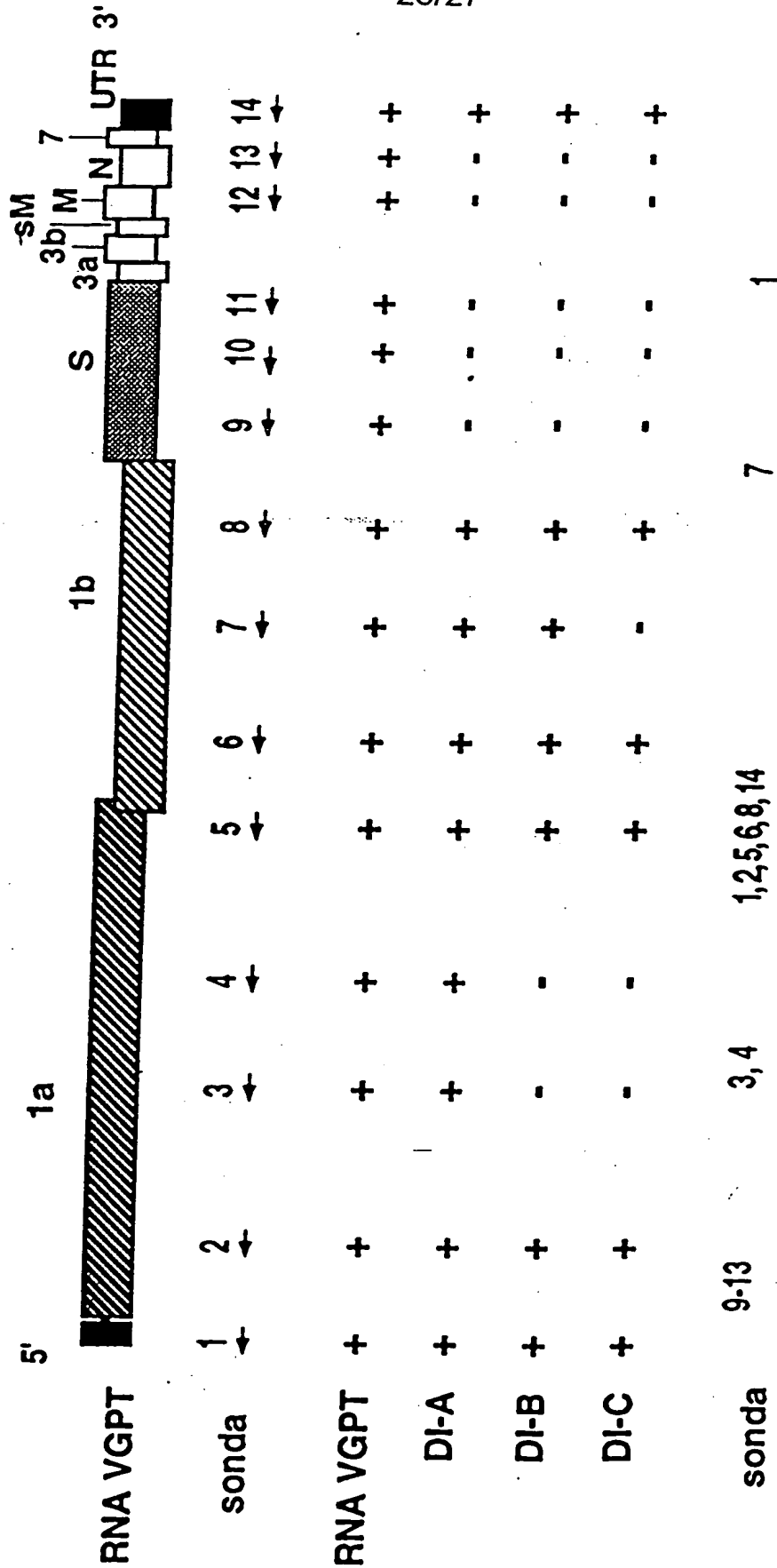
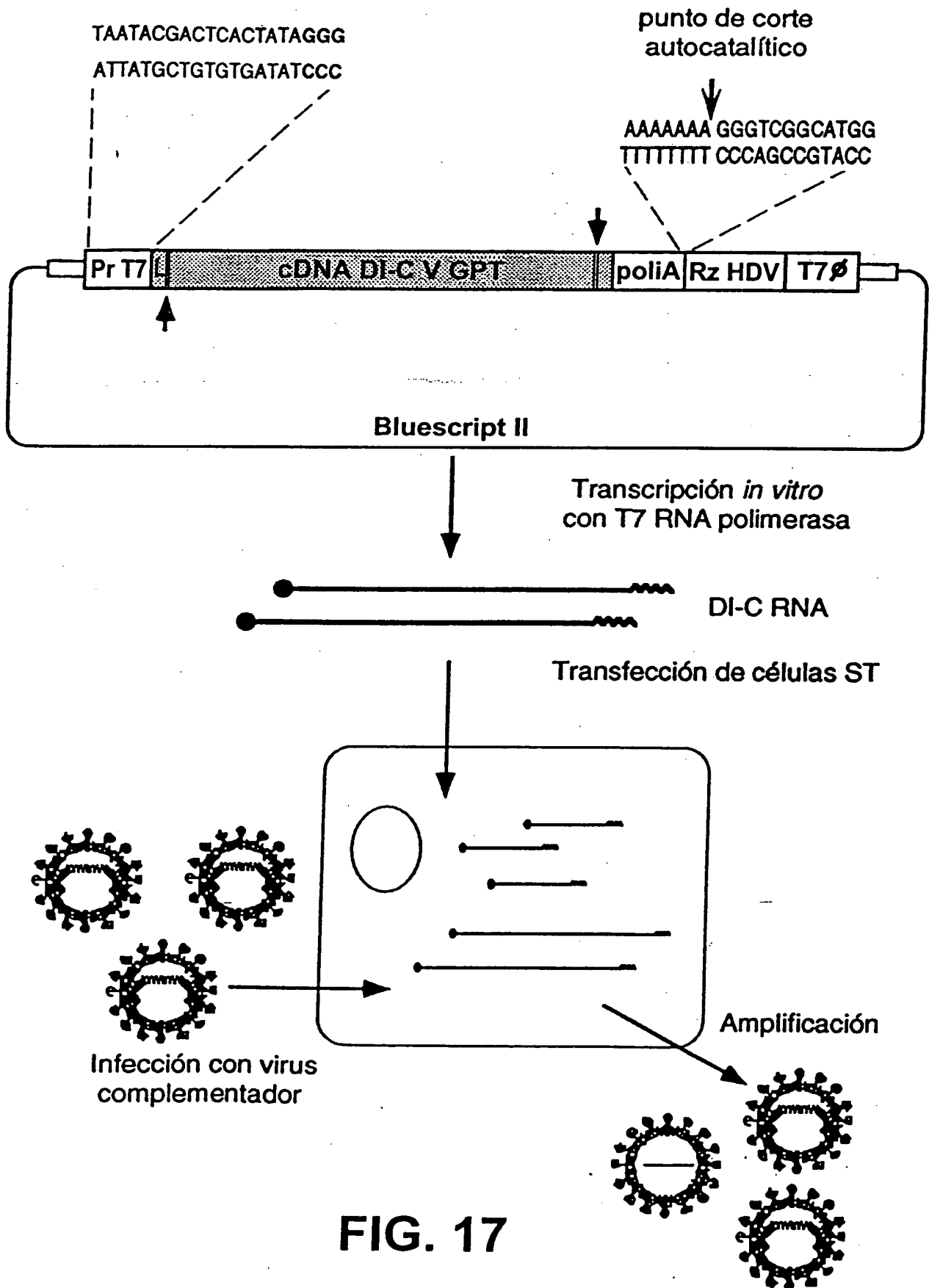


FIG.16



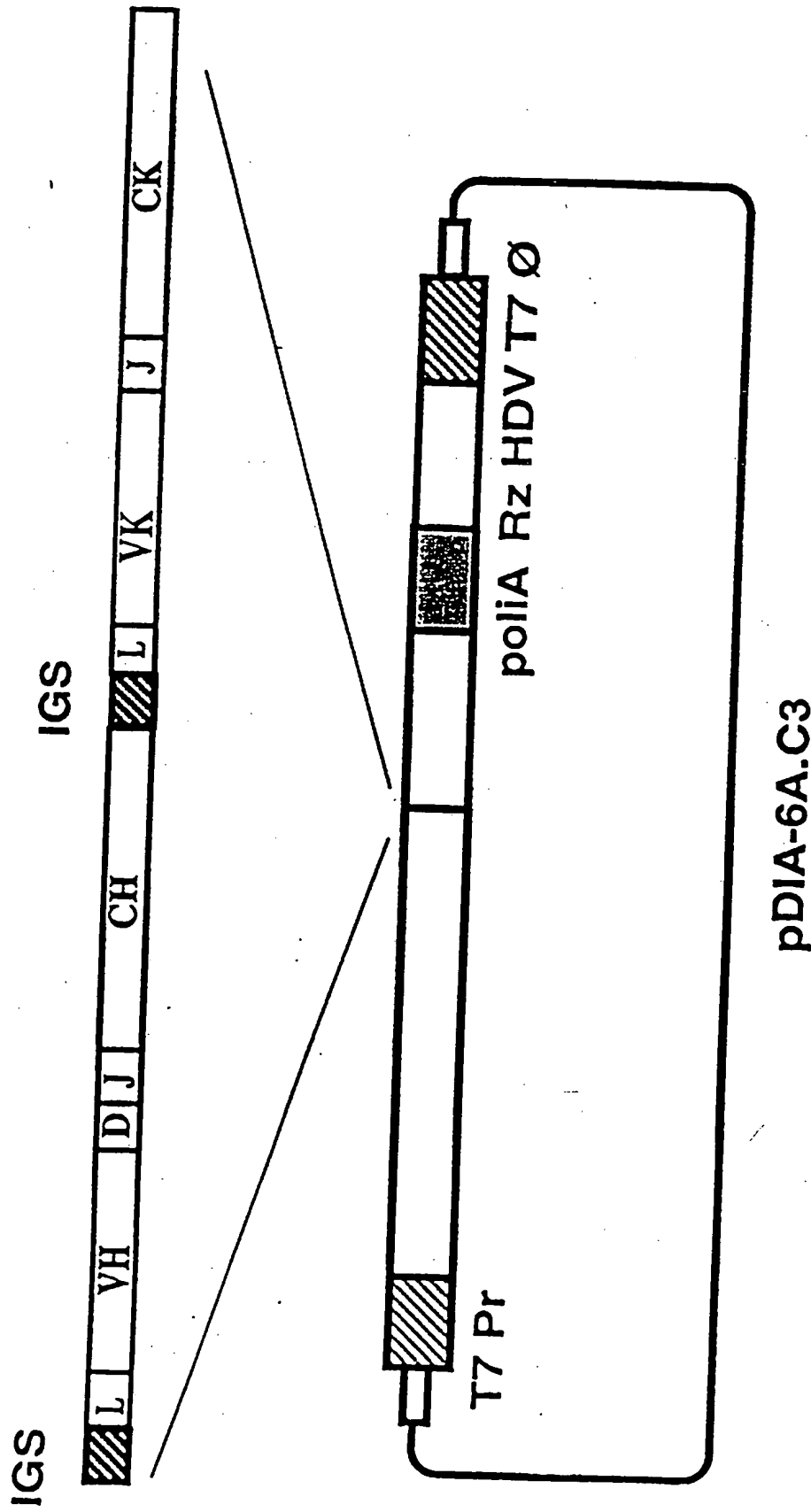


FIG.18